

Curriculum Vitae et Studiorum di Giorgio DIECI

Informazioni generali

Nato a Piacenza (PC) il 12 marzo 1965.

Indirizzo di lavoro: Dipartimento di Scienze Chimiche, della Vita e della Sostenibilità Ambientale, Università degli Studi di Parma, Parco Area delle Scienze 23/A, 43124 PARMA

Tel. +39-0521-905649

FAX +39-0521-905151

Cell. 334-6467891

E-mail: giorgio.dieci@unipr.it

Posizione attuale

Professore di prima fascia, SSD BIOS/08-A (Biologia Molecolare), presso l'Università degli Studi di Parma (Dipartimento di Scienze Chimiche, della Vita e della Sostenibilità Ambientale - Unità di Scienze Biomolecolari, Genomiche e Biocomputazionali).

Istruzione, posizioni precedenti e qualificazioni

- | | |
|-------------|--|
| 1984 | Diploma di maturità classica presso il Liceo Ginnasio M. Gioia di Piacenza (58/60) |
| 1988 | Laurea in Scienze Biologiche, Università degli Studi di Parma (110/110 e lode) |
| 1989 | Tirocinante presso l'Istituto di Scienze Biochimiche, Università di Parma |
| 1990-1993 | Dottorato di Ricerca in Biologia e Patologia Molecolare, Università degli Studi di Parma (conseguimento del titolo di Dottore di Ricerca il 6.10.1994 con una dissertazione dal titolo: "Livelli di complessità di un apparato trascrizionale eucariotico") |
| 1994-1995 | EMBO Post-doctoral Fellow presso il Service de Biochimie et Génétique Moléculaire, CEA-Saclay (Gif-sur-Yvette, Francia). |
| 1996-1997 | Titolare di una borsa di studio post-dottorato dell'Università di Parma (settore Scienze Biologiche Fondamentali) per attività di ricerca presso l'Istituto di Scienze Biochimiche. |
| 1997-2001 | Ricercatore per il SSD E05A (Biochimica) presso l'Università di Parma (Istituto di Scienze Biochimiche) |
| 2001-2015 | Professore Associato, SSD BIO/10 (Biochimica), Università di Parma (Dipartimento di Biochimica e Biologia Molecolare e, dal 2012, Dipartimento di Bioscienze) |
| 16.06.2014 | Conseguimento dell'Abilitazione Scientifica Nazionale come Professore di prima fascia, settore concorsuale 05/E1-Biochimica generale e Biochimica clinica. |
| da 18.12.15 | Professore Ordinario, Università di Parma, Dipartimento di Bioscienze e, dal 01.01.2017, Dipartimento di Scienze Chimiche, della Vita e della Sostenibilità Ambientale; inquadramento nel SSD BIO/10 fino al 2.12.2020, nel SSD BIO/11 (Biologia molecolare) a partire dal 3.12.2020 |
| 2017-2019 | Direttore, Dipartimento di Scienze Chimiche, della Vita e della Sostenibilità Ambientale (SCVSA), Università di Parma |
| da 04.07.20 | Coordinatore, Unità di Scienze biomolecolari, genomiche e biocomputazionali, Dipartimento SCVSA, Università di Parma |

Premi e affiliazioni

2001	Premio “Ettore Bora”, Accademia Nazionale dei Lincei, per le Scienze Biologiche e loro applicazioni.
1992-pres.	Membro della Società Italiana di Biochimica (dal 1999, Società Italiana di Biochimica e Biologia Molecolare; SIB). Coordinatore del Gruppo “Acidi Nucleici” della SIB, 2018-2019.
2006	International member, American Society for Microbiology
2005-2006	Regular member, American Society for Biochemistry and Molecular Biology
2013-pres.	Membro di Biopharmanet-Tec, Centro Interdipartimentale per l’Innovazione dei Prodotti per la Salute, Università degli Studi di Parma

Attività didattica

Corsi di Laurea

AA 1999-2000	Biochimica comparata (CdL in Scienze Biologiche)
AA 2000-2001	Biochimica cellulare (CdL in Scienze Biologiche) Biochimica (CdL in Biotecnologie)
AA 2001-2002	Biochimica cellulare (CdL in Scienze Biologiche) Biochimica (CdL in Biotecnologie) Proteomica (CdL in Biotecnologie)
AA 2002-2003	Biochimica cellulare (CdL in Scienze Biologiche) Biochimica applicata, Proteomica e Genomica (modulo Biochimica applicata e Proteomica, 3 CFU; CdL in Biotecnologie). Struttura e funzione delle molecole biologiche (Università Cattolica del Sacro Cuore, Piacenza)
AA 2003-2004	Biochimica cellulare (CdL in Scienze Biologiche) Biochimica applicata, Proteomica e Genomica (modulo Biochimica applicata e Proteomica, 3 CFU; CdL in Biotecnologie).
AA 2004-2005	Biochimica cellulare (CdL in Scienze Biologiche)
AA 2005-2006	Biochimica cellulare (5 CFU, CdL in Biologia) Seminario di Biochimica (3 CFU, CdL Specialistica in Biologia Molecolare) Proteomica (5 CFU, CdL Specialistica in Biologia Molecolare) Biologia per Bioinformatica (5 CFU, CdL in Informatica)
AA 2006-2007	Biochimica cellulare (5 CFU, CdL in Biologia) Seminario di Biochimica (3 CFU, CdL Specialistica in Biologia Molecolare) Proteomica (5 CFU, CdL Specialistica in Biologia Molecolare) Biologia per Bioinformatica (5 CFU, CdL in Informatica)
AA 2007-2008	Seminario di Biochimica (3 CFU, CdL Specialistica in Biologia Molecolare) Proteomica (5 CFU, CdL Specialistica in Biologia Molecolare) Biologia per Bioinformatica (5 CFU, CdL in Informatica)
AA 2008-2009	Seminario di Biochimica (3 CFU, CdL Specialistica in Biologia Molecolare) Proteomica (5 CFU, CdL Specialistica in Biologia Molecolare) Biologia per Bioinformatica (5 CFU, CdL in Informatica)
AA 2009-2010	Seminario di Biochimica (3 CFU, CdL Specialistica in Biologia Molecolare) Biochimica cellulare (5 CFU, CdL in Biologia) Biologia Molecolare degli Eucarioti (9 CFU, CdL Magistrale in Biologia Molecolare)

	Laboratorio di Biochimica (20 CFU, CdL in Biologia; coordinatore dei tirocini)
AA 2010-2011	Biochimica cellulare (5 CFU, CdL in Biologia) Biologia Molecolare degli Eucarioti (9 CFU, CdL Magistrale in Biologia Molecolare) Laboratorio di Biochimica (20 CFU, CdL in Biologia; coordinatore dei tirocini)
AA 2011-2012	Biochimica cellulare (6 CFU, CdL in Biologia) Biologia Molecolare degli Eucarioti (9 CFU, CdL Magistrale in Biologia Molecolare)
AA 2012-2013	Biochimica (9 CFU, CdL in Biologia) Biochimica cellulare (6 CFU, CdL in Biologia) Biologia Molecolare degli Eucarioti (9 CFU, CdL Magistrale in Biologia Molecolare)
AA 2013-2014	Biochimica cellulare (6 CFU, CdL in Biologia) Biologia Molecolare degli Eucarioti (9 CFU, CdL Magistrale in Biologia Molecolare)
AA 2014-2015	Biochimica cellulare (6 CFU, CdL in Biologia) Biologia Molecolare degli Eucarioti (9 CFU, CdL Magistrale in Biologia Molecolare) Tecniche di Laboratorio Biologico (3 CFU, CdL in Biologia, coordinatore delle attività di laboratorio).
AA 2015-2016	Biologia Molecolare degli Eucarioti (9 CFU, CdL Magistrale in Biologia Molecolare) Biochimica cellulare (6 CFU, CdL in Biologia) Tecniche di Laboratorio Biologico (3 CFU, CdL in Biologia, coordinatore delle attività di laboratorio).
AA 2016-2017	Biologia Molecolare degli Eucarioti (9 CFU, CdL Magistrale in Biologia Molecolare) Tecniche di Laboratorio Biologico (3 CFU, CdL in Biologia, coordinatore delle attività di laboratorio).
AA 2017-2018	Struttura ed espressione dei genomi eucariotici (9 CFU, CdL Magistrale in Biologia Molecolare)
AA 2018-2019	Struttura ed espressione dei genomi eucariotici (9 CFU, CdL Magistrale in Scienze biomolecolari, genomiche e cellulari)
AA 2019-2020	Biochimica (6 CFU, CdL in Chimica) Neurochimica (6 CFU, CdL Magistrale in Biologia e applicazioni biomediche)
AA 2020-2021	Biochimica (6 CFU, CdL in Chimica) Neurochimica (6 CFU, CdL Magistrale in Scienze Biomediche Traslazionali)
AA 2021-2022	Biochimica (6 CFU, CdL in Chimica) Neurochimica (6 CFU, CdL Magistrale in Scienze Biomediche Traslazionali)
AA 2022-2023	Biochimica (6 CFU, CdL in Chimica) Neurochimica (6 CFU, CdL Magistrale in Scienze Biomediche Traslazionali) Biologia molecolare e laboratorio integrato di biotecnologie III (2 CFU, codocenza, CdL in Biotecnologie)
AA 2023-2024	Biochimica e biologia molecolare (6 CFU, CdL in Chimica) Neurochimica (6 CFU, CdL Magistrale in Scienze Biomediche Traslazionali) Biologia molecolare e laboratorio integrato di biotecnologie III (2 CFU, codocenza, CdL in Biotecnologie)
AA 2024-2025	Biochimica e biologia molecolare (6 CFU, CdL in Chimica) Neurochimica (6 CFU, CdL Magistrale in Scienze Biomediche Traslazionali) Biologia molecolare e laboratorio integrato di biotecnologie III (2 CFU, codocenza, CdL in Biotecnologie)
AA 2025-2026	Biochimica e biologia molecolare (6 CFU, CdL in Chimica) Neurochimica (6 CFU, CdL Magistrale in Scienze Biomediche Traslazionali)

Segnalazione biomolecolare (3 CFU, CdL Magistrale in Scienze Biomolecolari, genomiche e cellulari)

2005-presente Relatore di circa 50 relazioni di laurea triennale e circa 45 tesi di laurea magistrale

Corsi di Dottorato di Ricerca

1999-2002 Membro del Collegio dei Docenti e Segretario, Dottorato di Ricerca in Biologia e Patologia Molecolare

2003-2011 Membro del Collegio dei Docenti e Segretario, Dottorato di Ricerca in Biochimica e Biologia Molecolare

2012-presente Membro del Collegio dei Docenti, Dottorato di Ricerca in Biotecnologie (dal 2014, Dottorato di Ricerca in Biotecnologie e Bioscienze)

2003-presente Supervisor di 12 tesi di Dottorato di Ricerca dell'Università degli Studi di Parma:

Roberto FERRARI (Biochimica e Biologia Molecolare) 2003-2005

Elisa GUFFANTI (Biochimica e Biologia Molecolare) 2003-2005

Priscilla BRAGLIA (Biotecnologie) 2003-2005

Milena PRETI (Biochimica e Biologia Molecolare) 2005-2007

Gloria FIORINO (Biochimica e Biologia Molecolare) 2006-2008

Andrea ORIOLI (Biochimica e Biologia Molecolare) 2007-2009

Chiara PASCALI (Biochimica e Biologia Molecolare, in co-tutela con Université Bordeaux 2) 2008-2010

Maria Cristina BOSIO (Biochimica e Biologia Molecolare) 2010-2012

Beatrice FERMI (Biotecnologie) 2012-2014

Anastasia CONTI (Scienze della Prevenzione) 2012-2014

Davide CARNEVALI (Biotecnologie) 2013-2015

Simona CANTARELLA (Biotecnologie e Bioscienze), 2016-2019

1997-presente *Membro di 9 commissioni d'esame di Ph.D. all'estero:*

Isabelle BRUN, Université Paris XI Orsay, 29.10.1997

Sophie ROZENFELD, Université Paris XI Orsay, 15.12.1999

Hélène DUMAY, Université Paris 7 Denis Diderot, 21.03.2000

Emilie LANDRIEUX, Université Paris 7 Denis Diderot, 2004

Aude PFLIEGER, Université Bordeaux 2, 15.12.2006

Nayla AYOUB, Université Paris 7 Denis Diderot, 23.09.2009

Lucie CARRIÈRE, Université Paris XI Orsay, 29.09.2011

Daniel DA SILVA, Université Bordeaux 2, 12.2011

Elisabeth LATA, Université de Bordeaux, 27.09.2014

Membro di 5 commissioni di esame di Ph.D. in altre Università italiane:

Dottorato di Ricerca in Scienze Biochimiche, Università di Verona, 27.04.2005.

Dottorato di Ricerca in Genetica e Biologia Molecolare, Sapienza Università di Roma, 02.2009.

Dottorato di Ricerca in Medicina Molecolare e Traslazionale, Università degli Studi di Milano, 02.2017

Dottorato di ricerca in Biologia Molecolare e Cellulare, Università degli Studi di Milano, 01.2020 (Marco Todisco)

Dottorato di ricerca in Biologia Molecolare e Cellulare, Università degli Studi di Milano, 05.2020 (Valentina Menetti)

Attività organizzative relative alla didattica (Università di Parma)

1999-2002	Segretario, Dottorato di Ricerca in Biologia e Patologia Molecolare
2003-2011	Segretario, Dottorato di Ricerca in Biochimica e Biologia Molecolare
11.2009-10.2011	Segretario, Consiglio di Corso di Laurea unificato delle classi di Scienze Biologiche (I livello) e Biologia (II livello)
11.2011-10.2013	Presidente, Consiglio di Corso di Laurea triennale in Biologia (L13)
06.2010-06.2012	Membro del Consiglio di Presidenza, Facoltà di Scienze MM.FF.NN.
2009-2011	Membro della Commissione Paritetica docenti-studenti, Facoltà di Scienze MM.FF.NN.
2013-2016	Membro del Gruppo di autovalutazione (GAV) del Consiglio di corso di studi in Biologia Molecolare
2013-2016	Responsabile assicurazione qualità (RAQ) del Consiglio di corso di studi in Biologia Molecolare

Attività gestionali nell'ambito dell'organizzazione universitaria (Università di Parma)

01.2017-12.2019	Direttore, Dipartimento di Scienze Chimiche, della Vita e della Sostenibilità Ambientale, Università di Parma
01.2017-12.2019	Membro del Senato Accademico, Università di Parma
12.2017-31.12.2018	Componente, Gruppo di lavoro "Procedure centrale acquisti e poli contabili", Università di Parma
03.2018-02.2019	Membro, Commissione Pianificazione Performance e Qualità, Università di Parma
12.2017-06.2019	Membro, Commissione revisione statutaria, Università di Parma

Attività scientifica in ambito biochimico/biomolecolare

Principali temi di ricerca e risultati conseguiti

i) Meccanismi molecolari della trascrizione eucariotica.

G. Dieci è uno dei maggiori studiosi dei meccanismi e della regolazione del reinizio trascrizionale. In particolare è lo scopritore, insieme a André Sentenac, del processo di reinizio facilitato, attraverso cui la RNA polimerasi III è in grado di ripetere cicli multipli di trascrizione dello stesso gene senza dissociazione fra un ciclo di trascrizione e il successivo. E' inoltre un esperto, riconosciuto a livello internazionale, dell'apparato di trascrizione della RNA polimerasi III, alla cui comprensione ha dato importanti contributi.

ii) Regolazione genica in funzione delle condizioni di crescita.

G. Dieci ha scoperto, insieme a David Shore, le basi molecolari dell'espressione coordinata in lievito dei geni per snoRNA, piccoli RNA non tradotti necessari alla biogenesi dei ribosomi. Ha condotto inoltre la prima analisi su scala genomica degli effetti trascrittomici di una carenza di sintesi dei tRNA, rivelando un ruolo centrale del tRNA^{Met} iniziatore. Attraverso analoghi studi su scala genomica, il laboratorio di G. Dieci ha contribuito a chiarire le basi molecolari della co-regolazione dei geni codificanti per proteine ribosomiali e per i fattori di biogenesi dei ribosomi.

iii) Identificazione di nuovi ncRNA prodotti dalla RNA polimerasi III e coinvolti in patologie umane.

In collaborazione con Aldo Pagano, G. Dieci ha scoperto trascritti non canonici della RNA polimerasi III nell'uomo, e ne ha messo in luce il coinvolgimento nel controllo della proliferazione cellulare, nel cancro e nella neurodegenerazione.

iv) *Espressione di retrotrasposoni umani e sua alterata regolazione nel cancro.*

Attraverso nuovi strumenti bioinformatici per l'analisi di banche-dati di Next-Generation Sequencing (NGS), il gruppo di G. Dieci ha definito per la prima volta, a risoluzione di singolo locus, i profili di espressione dei retrotrasposoni SINEs e LINEs, che potrebbero costituire un nuovo tipo di biomarcatore di stati epigenomici nelle cellule umane normali e patologiche, anche in seguito a esposizione ad agenti chimici ambientali o ad infezione virale.

Finanziamenti e partecipazione a progetti di ricerca

1997	Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR, Comitato Nazionale per le Scienze Biologiche e Mediche), <i>grant</i> individuale per il progetto “Regolazione dell’espressione di geni eucariotici di classe III e controllo della proliferazione cellulare”, 1997 (Titolare del finanziamento).
1998-1999	PRIN 1997, Partecipante al programma di ricerca “Microspettroscopia e microscopia a forza atomica di macromolecole biologiche” (Resp. scientifico: Gian Luigi Rossi; Coord. nazionale: Alessandro Coda).
1998-1999	Partecipante al Progetto Finalizzato Biotecnologie CNR “Sintesi di PNA chirali e riconoscimento selettivo di sequenze di DNA o RNA per il controllo specifico di geni di interesse biologico”.
1999-2000	PRIN 1998, Partecipante al programma di ricerca “Sintesi di nuovi monomeri e oligomeri chirali di acidi peptidonucleici (PNA) e riconoscimento di DNA e RNA” (Resp. scientifico: Arnaldo Dossena; Coord. nazionale: Roberto Gambari).
2000-2001	PRIN 1999, Partecipante al programma di ricerca “Analisi funzionale e microscopia a forza atomica di intermedi nucleoproteici della trascrizione RNA polimerasi III-dipendente” (Resp. scientifico: Simone Ottonello; Coord. nazionale: Ernesto Di Mauro).
2002-2003	PRIN 2001, Partecipante al programma di ricerca “Il sistema trascrizionale della RNA polimerasi III: analisi strutturale, funzionale e genomica dei processi di inizio, terminazione e reinizio” (Resp. scientifico: Simone Ottonello; Coord. nazionale: Ernesto Di Mauro).
06/02-05/06	Human Frontier Science Program (HFSP 2002), Coordinatore internazionale Young Investigator Grant “Functions of the RNA polymerase III transcription system in genome organization and dynamics” (Responsabili Unità di Ricerca G. Dieci, D. Donze (Louisiana State University, USA), T. Kobayashi (National Institute for Basic Biology, Japan).
2004-2005	PRIN 2003, Responsabile scientifico di unità di ricerca per il progetto “Regolazione delle tre RNA polimerasi eucariotiche nel controllo della biosintesi del macchinario traduzionale” (Coordinatore nazionale: Laura Frontali).
2006-2007	PRIN 2005, Responsabile scientifico di unità di ricerca per il progetto “Connessioni funzionali fra i sistemi delle RNA polimerasi I e III e i macchinari di degradazione proteica e di trasporto nucleare” (Coordinatore nazionale: Rodolfo Negri).
2008-2010	Università Italo-Francese, Programma Vinci 2007, Finanziamento borsa di dottorato in co-tutela (laboratori responsabili: G. Dieci, M. Teichmann-

- Université Bordeaux 2; Progetto: “Nuovi geni umani trascritti dalla RNA polimerasi III: identificazione su scala genomica, caratterizzazione e regolazione”).
- 2009 Associazione Italiana del Consiglio dei Comuni e delle Regioni d'Europa (AICCCE), Contributo progetto collaborativo Emilia Romagna-Aquitania “Nuovi geni umani trascritti dalla RNA polimerasi III: identificazione su scala genomica, caratterizzazione e regolazione”.
- 09/08-09/10 PRIN 2007, **Coordinatore nazionale** del programma “Nuove strategie epigenetiche nella regolazione dell'espressione e della dinamica dei genomi” (Responsabili Unità di Ricerca: G. Dieci, P. Filetici-CNR, R. Negri-Sapienza Roma).
- 10/10-09/12 Fondazione Cariparma, Contributi per ricerca scientifica 2010, **Responsabile scientifico** del progetto “Studio del trascrittoma della RNA polimerasi III e delle sue connessioni con il cancro”
- 10/10-10/12 PRIN 2009, **Coordinatore nazionale** del programma “Studio delle connessioni fra trascrizione genica e regolazione dei telomeri in *Saccharomyces cerevisiae*” (Responsabili Unità di Ricerca: G. Dieci, M. Clerici-Milano Bicocca, R. Negri-Sapienza Roma)
- 2013-2015 AIRC Investigator Grant 2012, Partecipante come collaboratore esterno al programma di ricerca “Carcinogen-induced epigenetic switching in human retroelements: a mechanistic study on benzene effects” (Responsabile scientifico: S. Fustinoni - Università di Milano)
- 2016-2019 AIRC Investigator Grant 2015, **Principal Investigator** del programma di ricerca “Exploring the potential of Alu RNAs as novel epigenetic players and molecular biomarkers in cancer biology”

Collaborazioni scientifiche nazionali

Rodolfo NEGRI, Dip. di Biologia e Biotecnologie "C. Darwin", Sapienza-Università di Roma
 Aldo PAGANO, Dip. di Medicina Sperimentale, Università di Genova
 Tommaso BELLINI, Dip. di Dipartimento di Biotecnologie Mediche e Medicina Traslazionale, Università di Milano
 Michela CLERICI, Dip. di Dipartimento di Biotecnologie e Bioscienze, Università di Milano-Bicocca
 Valentina BOLLATI, Dip. Scienze Cliniche e di Comunità, Università di Milano
 Silvia FUSTINONI, Dip. Scienze Cliniche e di Comunità, Università di Milano
 Angela AMORESANO, Dip. Scienze Chimiche, Università di Napoli
 Roberto CORRADINI, Dip. di Chimica, Università di Parma

Collaborazioni scientifiche internazionali

Michel WERNER, Dept. Of Genome Biology, CEA (France)
 Martin TEICHMANN, INSERM and Université de Bordeaux (France)
 Joël ACKER, CEA, iBiTecS, Gif-sur-Yvette (France)
 David DONZE, Dept. of Biological Sciences, Louisiana State University, Baton Rouge LA (USA)
 Nouria HERNANDEZ, Center for Integrative Genomics, Université de Lausanne (Switzerland)
 David SHORE, Dept. of Molecular Biology, University of Geneva (Switzerland)
 Linda F. VAN DYCK, Dept. Of Immunology and Microbiology, University of Colorado Anschutz Medical Campus, Aurora, CO (USA)

Matteo PELLEGRINI, Dept. of Molecular, Cell and Developmental Biology, UCLA, Los Angeles, CA (USA)
Arnold J. BERK, Department of Microbiology, Immunology and Molecular Genetics, UCLA, Los Angeles, CA (USA)
Takehiko KOBAYASHI, Department of Genetics, The Graduate University for Advanced Studies, Sokendai, Mishima, Shizuoka (Japan)
Yasushi YUKAWA, Graduate School of Natural Sciences, Nagoya City University, Nagoya (Japan)
Massimo TOMMASINO, Infections and Cancer Biology Group, International Agency for Research on Cancer, Lyon (France)
Roberto FERRARI, Centre for Genomic Regulation (CRG), Barcelona (Spain)
Feliz NAEF, EPF Lausanne (Switzerland)

Consulenze scientifiche

Consulenza per l'azienda Allozyne, Inc. (Seattle, WA 98102, USA): realizzazione di costrutti per l'espressione ad alto livello in cellule di mammifero di tRNA procariotici per l'inserimento di amminoacidi non-naturali in proteine di interesse terapeutico.

Brevetti

Dieci G, Marelli M, Grabstein K, *inventors*; MedImmune Ltd, Cambridge, *proprietor*. Novel nucleic acid molecules. European Patent EP 2970949, May 30 2018.

Comitati editoriali

2021-2023: Section editor (Molecular Genetics and Genomics) per International Journal of Molecular Sciences

Pubblicazioni su riviste scientifiche internazionali con *peer review*.

1. Vezzoli M, Dieci G, Ferrari R (2026) The Viral Immunoshadow: Early Adenovirus Strategies for Cloaking Innate Immunity with E1A, E4orf1, and Beyond. *Cells* **15**:746
2. Cantarella S, Vezzoli M, Carnevali D, Morselli M, Zemke NR, Montanini B, Daussy CF, Wodrich H, Teichmann M, Pellegrini M, Berk AJ, **Dieci G**, Ferrari R (2024). Adenovirus small E1A directs activation of Alu transcription at YAP/TEAD- and AP-1-bound enhancers through interactions with the EP400 chromatin remodeler. *Nucleic Acids Res* **52**:9481-9500.
3. Merici G, Amidani D, **Dieci G**, Rivetti C (2024). A New Strategy to Investigate RNA:DNA Triplex Using Atomic Force Microscopy. *Int J Mol Sci* **25**:3035.
4. Vezzoli M, de Llobet Cucalon LI, Di Vona C, Morselli M, Montanini B, de la Luna S, Teichmann M, **Dieci G**, Ferrari R (2023). TFIIC as a potential epigenetic modulator of histone acetylation in human stem cells. *Int J Mol Sci* **24**:3624.
5. Morselli M, **Dieci G** (2022). Epigenetic regulation of human non-coding RNA gene transcription. *Biochem Soc Trans* **50**:723-736.
6. Carzaniga T, Zanchetta G, Frezza E, Casiraghi L, Vanjur L, Nava G, Tagliabue G, **Dieci G**, Buscaglia M, Bellini T (2021). A bit stickier, a bit slower, a lot stiffer: specific vs. nonspecific binding of Gal4 to DNA. *Int J Mol Sci* **22**:3813.

7. **Dieci G** (2021). Removing quote marks from the RNA polymerase II CTD ‘code’. *Biosystems*, **207**:104468.
8. Ferrari R, Grandi N, Tramontano E, **Dieci G** (2021). Retrotransposons as drivers of mammalian brain evolution. *Life* **11**:376.
9. Ferrari R, Llobet LI, Di Vona C, Le Dilly F, Vidal E, Lioutas A, Quilez J, Jochem L, Cutts E, **Dieci G**, Vannini A, Teichmann M, De la Luna S, Beato M (2020). TFIIIC binding to Alu elements controls gene expression via chromatin looping and histone acetylation. *Mol Cell* **77**:1-13
10. Cantarella S, Di Nisio E, Carnevali D, **Dieci G**, Montanini B (2019). Interpreting and integrating big data in non-coding RNA research. *Emerg Top Life Sci* **3**:343-355
11. Cantarella S, Carnevali D, Morselli M, Conti A, Pellegrini M, Montanini B, **Dieci G** (2019). Alu RNA modulates the expression of cell cycle genes in human fibroblasts. *Int J Mol Sci*, Jul 5; **20**(13)
12. Rota F, Conti A, Campo L, Favero C, Cantone L, Motta V, Polledri E, Mercadante R, **Dieci G**, Bollati V, Fustinoni S (2018). Epigenetic and transcriptional modifications in repetitive elements in petrol station workers exposed to benzene. *Int J Environ Res Public Health* **15** 735
13. **Dieci G**, Ferrari R (2018). The third (III) road to cell transformation. *Cell Cycle* **17** 410-411
14. Bosio MC, Fermi B, **Dieci G** (2017). Transcriptional control of yeast ribosome biogenesis: a multifaceted role for General Regulatory Factors. *Transcription* **8** 254-260.
15. Carnevali D, **Dieci G** (2017). Identification of RNA polymerase III-transcribed SINEs at single-locus resolution from RNA-Sequencing data. *Non-Coding RNA* **3** 15.
16. Bosio MC, Fermi B, Spagnoli G, Levati E, Rubbi L, Ferrari R, Pellegrini M, **Dieci G** (2017). Abf1 and other general regulatory factors control ribosome biogenesis gene expression in budding yeast. *Nucleic Acids Res* **45** 4493-4506.
17. Carnevali D, Conti A, Pellegrini M, **Dieci G** (2017). Whole-genome expression analysis of mammalian-wide interspersed repeat elements in human cell lines. *DNA Res* **24** 59-69.
18. Fermi B, Bosio MC, **Dieci G** (2017). Multiple roles of the general regulatory factor Abf1 in yeast ribosome biogenesis. *Curr Genet* **63** 65-68.
19. Conti A, Rota F, Ragni E, Favero C, Motta V, Lazzari L, Bollati V, Fustinoni S, **Dieci G** (2016). Hydroquinone induces DNA hypomethylation-independent overexpression of retroelements in human leukemia and hematopoietic stem cells. *Biochem Biophys Res Commun* **474** 691-695.
20. Fermi B, Bosio M.C., **Dieci G** (2016). Promoter architecture and transcriptional regulation of Abf1-dependent ribosomal protein genes in *Saccharomyces cerevisiae*. *Nucleic Acids Res* **44** 6113-6126.
21. Carnevali D, **Dieci G** (2015). Alu expression profiles as a novel RNA signature in biology and disease. *RNA & Disease* **2** e735.
22. Fraccia T, Smith G, Zanchetta G, Paraboschi E, Yi Y, Walba D, **Dieci G**, Clark N, Bellini T (2015). Abiotic ligation of DNA oligomers templated by their liquid crystal ordering. *Nat Commun* **6** 6424.

23. Conti A, Carnevali D, Bollati V, Fustinoni S, Pellegrini M, **Dieci G** (2015). Identification of RNA polymerase III-transcribed Alu loci by computational screening of RNA-Seq data. *Nucleic Acids Res* **43** 817-835.
24. **Dieci G**, Fermi B, Bosio MC (2014). Investigating transcription reinitiation through in vitro approaches. *Transcription* **5**:e27704
25. Penna I, Vassallo I, Nizzari M, Russo D, Costa D, Menichini P, Poggi A, Russo C, **Dieci G**, Florio T, Cancedda R, Pagano A. (2013). A novel snRNA-like transcript affects amyloidogenesis and cell cycle progression through perturbation of Fe65L1 (APBB2) alternative splicing. *BBA-Mol Cell Res* **1833** 1511-1526.
26. **Dieci G**, Bosio MC, Fermi B, Ferrari R (2013). Transcription reinitiation by RNA polymerase III. *BBA-Gene Regul Mech* **1829** 331-341.
27. **Dieci G**, Conti A, Pagano A, Carnevali D (2013). Identification of RNA polymerase III-transcribed genes in eukaryotic genomes. *BBA-Gene Regul Mech*, **1829** 296-305.
28. Ciarlo E, Massone S, Penna I, Nizzari M, Gigoni A, **Dieci G**, Russo C, Florio T, Cancedda R, Pagano A. (2013). An intronic ncRNA-dependent regulation of SORL1 expression affecting A β formation is upregulated in post-mortem Alzheimer's disease brain samples. *Dis Model Mech* **6** 424-433.
29. Bruzzone M, Gavazzo P, Massone S, Balbi C, Villa F, Conti A, **Dieci G**, Cancedda R, Pagano A (2012). The murine PSE/TATA-dependent transcriptome: evidence of functional homologies with its human counterpart. *Int J Mol Sci* **13** 14813-14827.
30. Orioli A, Pascali C, Pagano A, Teichmann M, **Dieci G** (2012). RNA polymerase III transcription control elements: themes and variations. *Gene* **493** 185-194.
31. Massone S, Vassallo I, Castelnuovo M, Fiorino G, Gatta E, Robello M, Borghi R, Tabaton M, Russo C, **Dieci G**, Cancedda R, Pagano A (2011). RNA polymerase III drives alternative splicing of the potassium channel-interacting protein contributing to brain complexity and neurodegeneration. *J Cell Biol* **19** 851-866. *
32. Bosio MC, Negri R, **Dieci G** (2011). Promoter architectures in the yeast ribosomal expression program. *Transcription* **2** 71-77.
33. Orioli A, Pascali C, Quartararo J, Diebel KW, Praz V, Percudani R, van Dyk LF, Hernandez N, Teichmann M, **Dieci G** (2011). Widespread occurrence of non-canonical transcription termination by human RNA polymerase III. *Nucleic Acids Res* **39** 5499-5512.
34. Massone S, Vassallo I, Fiorino G, Castelnuovo M, Barbieri F, Borghi R, Tabaton M, Robello M, Gatta E, Russo C, Florio T, **Dieci G**, Cancedda R, Pagano A (2011). 17A, a novel non-coding RNA, regulates GABA B alternative splicing and signaling in response to inflammatory stimuli and in Alzheimer disease. *Neurobiol Dis* **41** 308-317.
35. Yukawa Y, **Dieci G**, Alzapiedi M, Hiraga A, Hirai K, Yamamoto YY, Sugiura M (2011). A common sequence motif involved in selection of transcription start sites of Arabidopsis and budding yeast tRNA genes. *Genomics* **97** 166-172.
36. Teichmann M, **Dieci G**, Pascali C, Boldina G (2010). General transcription factors and subunits of RNA polymerase III: Paralogues for promoter- and cell type-specific transcription in multicellular eukaryotes. *Transcription* **1** 130-135.

37. Castelnovo M, Massone S, Tasso R, Fiorino G, Gatti M, Robello M, Gatta E, Berger A, Strub K, Florio T, **Dieci G**, Cancedda R, Pagano A (2010). An Alu-like RNA promotes cell differentiation and reduces malignancy of human neuroblastoma cells. *FASEB J* **24** 4033-4046.
38. Preti M, Ribeyre C, Pascali C, Bosio MC, Cortelazzi B, Rougemont J, Guarnera E, Naef F, Shore D, **Dieci G** (2010). The telomere-binding protein Tbf1 demarcates snoRNA gene promoters in *Saccharomyces cerevisiae*. *Mol Cell* **38** 614-620 **
39. **Dieci G**, Preti M, Montanini B (2009). Eukaryotic snoRNAs: a paradigm for gene expression flexibility. *Genomics* **94** 83-88.
40. **Dieci G**, Ruotolo R, Braglia P, Carles C, Carpentieri A, Amoresano A, Ottonello S (2009). Positive modulation of RNA polymerase III transcription by ribosomal proteins. *Biochem Biophys Res Commun* **379** 489-493.
41. Tavenet A, Suleau A, Dubreuil G, Ferrari R, Ducrot C, Michaut M, Aude JC, **Dieci G**, Lefebvre O, Conesa C, Acker J. (2009). Genome-wide location analysis reveals a role for Sub1 in RNA polymerase III transcription. *Proc Natl Acad Sci U S A* **106** 14265-14270.***
42. Ferrari R, **Dieci G** (2008). The transcription reinitiation properties of RNA polymerase III in the absence of transcription factors. *Cell Mol Biol Lett* **13** 112-118.
43. Braglia P, Dugas SL, Donze D, **Dieci G** (2007). Requirement of Nhp6 proteins for transcription of a subset of tRNA genes and heterochromatin barrier function in *Saccharomyces cerevisiae*. *Mol Cell Biol* **27** 1545-1557.
44. **Dieci G**, Fiorino G, Castelnovo M, Teichmann M, Pagano A (2007). The expanding RNA polymerase III transcriptome. *Trends Genet* **23** 614-622.
45. Pagano A, Castelnovo M, Tortelli F, Ferrari R, **Dieci G**, Cancedda R (2007). New small nuclear RNA gene-like transcriptional units as sources of regulatory transcripts. *PLoS Genet* **3** e1.
46. **Dieci G**, Yukawa Y, Alzapiedi M, Guffanti E, Ferrari R, Sugiura M, Ottonello S (2006). Distinct modes of TATA box utilization by the RNA polymerase III transcription machineries from budding yeast and higher plants. *Gene* **379** 12-25.
47. Guffanti E, Ferrari R, Preti M, Forloni M, Harismendy O, Lefebvre O, **Dieci G** (2006). A minimal promoter for TFIIC-dependent in vitro transcription of snoRNA and tRNA genes by RNA polymerase III. *J Biol Chem* **281** 23945-23957.
48. Guffanti E, Percudani R, Harismendy O, Soutourina J, Werner M, Iacovella MG, Negri R, **Dieci G** (2006). Nucleosome depletion activates poised RNA polymerase III at unconventional transcription sites in *Saccharomyces cerevisiae*. *J Biol Chem* **281** 29155-29164.
49. Preti M, Guffanti E, Valitutto E, **Dieci G** (2006). Assembly into snoRNP controls 5'-end maturation of a box C/D snoRNA in *Saccharomyces cerevisiae*. *Biochem Biophys Res Commun* **351** 468-473.
50. Braglia P, Percudani R, **Dieci G** (2005). Sequence context effects on oligo(dT) termination signal recognition by *Saccharomyces cerevisiae* RNA polymerase III. *J Biol Chem* **280** 19551-19562.

51. Conesa C, Ruotolo R, Soularue P, Simms TA, Donze D, Sentenac A, **Dieci G** (2005). Modulation of yeast genome expression in response to defective RNA polymerase III-dependent transcription. *Mol Cell Biol* **25** 8631-8642.
52. **Dieci G**, Bottarelli L, Ottonello S (2005). A general procedure for the production of antibody reagents against eukaryotic ribosomal proteins. *Protein Pept Lett* **12** 555-560.
53. Ferrari R, Rivetti C, Acker J, **Dieci G** (2004). Distinct roles of transcription factors TFIIIB and TFIIIC in RNA polymerase III transcription reinitiation. *Proc Natl Acad Sci U S A* **101** 13442-13447.
54. Ferrari R, Rivetti C, **Dieci G** (2004). Transcription reinitiation properties of bacteriophage T7 RNA polymerase. *Biochem Biophys Res Commun* **315** 376-380.
55. Guffanti E, Corradini R, Ottonello S, **Dieci G** (2004). Functional dissection of RNA polymerase III termination using a peptide nucleic acid as a transcriptional roadblock. *J Biol Chem* **279** 20708-20716.
56. **Dieci G**, Sentenac A (2003). Detours and shortcuts to transcription reinitiation. *Trends Biochem Sci* **28** 202-209.
57. Giuliodori S, Percudani R, Braglia P, Ferrari R, Guffanti E, Ottonello S, **Dieci G** (2003). A composite upstream sequence motif potentiates tRNA gene transcription in yeast. *J Mol Biol* **333** 1-20.
58. Rivetti C, Codeluppi S, **Dieci G**, Bustamante C (2003). Visualizing RNA extrusion and DNA wrapping in transcription elongation complexes of bacterial and eukaryotic RNA polymerases. *J Mol Biol* **326** 1413-1426.
59. **Dieci G**, Giuliodori S, Catellani M, Percudani R, Ottonello S (2002). Intragenic promoter adaptation and facilitated RNA polymerase III recycling in the transcription of SCR1, the 7SL RNA gene of *Saccharomyces cerevisiae*. *J Biol Chem* **277** 6903-6914.
60. Betti M, Petrucco S, Bolchi A, **Dieci G**, Ottonello S (2001). A plant 3'-phosphoesterase involved in the repair of DNA strand breaks generated by oxidative damage. *J Biol Chem* **276** 18038-18045.
61. **Dieci G**, Corradini R, Sforza S, Marchelli R, Ottonello S (2001). Inhibition of RNA polymerase III elongation by a T10 peptide nucleic acid. *J Biol Chem* **276** 5720-5725.
62. **Dieci G**, Bottarelli L, Ballabeni A, Ottonello S (2000). tRNA-assisted overproduction of eukaryotic ribosomal proteins. *Protein Expr Purif* **18** 346-354.
63. **Dieci G**, Percudani R, Giuliodori S, Bottarelli L, Ottonello S (2000). TFIIIC-independent *in vitro* transcription of yeast tRNA genes. *J Mol Biol* **299** 603-615.
64. Pizzi S, **Dieci G**, Frigeri P, Piccoli G, Stocchi V, Ottonello S (1999). Domain organization and functional properties of yeast TFIIIA species with different zinc stoichiometries. *J Biol Chem* **274** 2539-2548.
65. Teichmann M, **Dieci G**, Huet J, Ruth J, Sentenac A, Seifart KH (1997). Functional interchangeability of TFIIIB components from yeast and human cells *in vitro*. *EMBO J* **16** 4708-4716.

66. **Dieci G**, Sentenac A (1996). Facilitated recycling pathway for RNA polymerase III. *Cell* **84** 245-252.
67. Huet J, Manaud N, **Dieci G**, Peyroche G, Conesa C, Lefebvre O, Ruet A, Riva M, Sentenac A (1996). RNA polymerase III and class III transcription factors from *Saccharomyces cerevisiae*. *Methods Enzymol* **273** 249-267.
68. Ruth J, Conesa C, **Dieci G**, Lefebvre O, Dusterhoft A, Ottonello S, Sentenac A (1996). A suppressor of mutations in the class III transcription system encodes a component of yeast TFIIB. *EMBO J* **15** 1941-1949.
69. **Dieci G**, Duimio L, Peracchia G, Ottonello S (1995). Selective inactivation of two components of the multiprotein transcription factor TFIIB in cycloheximide growth-arrested yeast cells. *J Biol Chem* **270**, **22** 13476-13482.
70. **Dieci G**, Hermann-Le, Denmat S, Lukhtanov E, Thuriaux P, Werner M, Sentenac A (1995). A universally conserved region of the largest subunit participates in the active site of RNA polymerase III. *EMBO J* **14** 3766-3776.
71. Ottonello S, Ballabeni A, Soncini C, **Dieci G** (1994). High level expression in E.coli and purification of yeast transcription factor IIIA. *Biochem Biophys Res Commun* **203** 1217-1223.
72. Pavesi A, Conterio F, Bolchi A, **Dieci G**, Ottonello S (1994). Identification of new eukariotic tRNA genes in genomic DNA databases by a multistep weight matrix analysis of transcriptional control regions. *Nucleic Acids Res* **22** 1247-1256.
73. **Dieci G**, Duimio L, Coda F, Sprague KU, Ottonello S (1993). A novel RNA polymerase III transcription factor fraction that is not required for template commitment. *J Biol Chem.* **268** 11199-11207.
74. Pavesi A, **Dieci G**, Bolchi A, Conterio F, Ottonello S (1993). New tRNA genes identified by a weight matrix procedure of computer search are transcribed in vitro as PCR-amplified linear fragments. *Minerva Biotechnol* **5** 151-157.

H-index: 32 (fonte: Scopus, 27.05.2026).

Pubblicazioni segnalate:

* Comment in Alzforum. "Can non-coding RNA tie inflammation to Alzheimer's disease?".

<http://www.alzforum.org/news/research-news/can-non-coding-rna-tie-inflammation-alzheimers-disease>. Highlighted in J. Cell. Biol. (2011), 193:800 "Noncoding RNA to blame for bad editing".

** Recommended by Faculty of 1000. Faculty of 1000 Biology: evaluations for Preti M et al *Mol Cell* 2010 May 28 38 (4) :614-20 <http://f1000biology.com/article/id/3522957/evaluation>

*** Recommended by Faculty of 1000. Faculty of 1000 Biology: evaluations for Tavenet A et al *Proc Natl Acad Sci U S A* 2009 Aug 25 106 (34) :14265-70 <http://f1000biology.com/article/id/1164392/evaluation>

Contributi a libri

Castelnuovo M, Florio T, **Dieci G**, Cancedda R, Pagano A (2013). Neuroblastoma: inhibition by Alu-like RNA. *Pediatric Cancer, Volume 4. Diagnosis, Therapy and Prognosis. Hayat, M.A. (Ed.). Springer.* 57-66. (**Book chapter**)

Comunicazioni a congressi

01. Ottonello S, Cacciapuoti G, Coda F, **Dieci G**, Malcevski A, Rossi GL.
Trascrizione *in vitro* ad Alta Efficienza di Geni di Classe III Catalizzata da Estratti Nucleari di *S.cerevisiae*. 34° Congresso Nazionale S.I.B., Padova 1988, C183, p.119
02. Ottonello S, Coda F, **Dieci G**, Duimio L
Functional Comparison of Class III Transcription Factors from Silkworms and Yeast. 35° Congresso Nazionale S.I.B., Bari 1990, p.289
03. Ottonello S, **Dieci G**, Duimio L, Coda F.
A Novel Component of the RNA polymerase III-Dependent Transcription Apparatus of *S.cerevisiae*. 36° Congresso Nazionale S.I.B., Ferrara 1991, p.202
04. Bolchi A, Pavesi A, Conterio F, **Dieci G**, Ottonello S.
A Weight Matrix Procedure of Computer Search for the Identification of tRNA Genes and Related Class III Elements in DNA Databases. *Interuniversity Consortium for Biotechnologies - IV Congress on "University and Biotechnology Innovation"*, Firenze 1993, p.154
05. **Dieci G**, Duimio L, Soncini MC, Ottonello S
Comparative and Functional Analysis of TFIIIE, a Newly Identified RNA Polymerase III Transcription Factor *VIII Convegno Nazionale "Proteine '93"*, Parma 1993, p.77
06. Ottonello S, **Dieci G**, Duimio L, Coda-Zabetta F
A Novel RNA Polymerase III Transcription Factor that is not Required for Template Commitment. *4th Italy-Japan Joint Seminar on Biological Sciences "Genetic Engineering in Plants and Animals"*, Gargnano (Italia), 1993, p.32
07. Pavesi A, Conterio F, Bolchi A, **Dieci G**, Ottonello S
New tRNA Genes Identified by a Weight Matrix Procedure of Computer Search are Transcribed *in vitro* as PCR-Amplified Linear Fragments. *IV° Workshop on "Synthetic Oligonucleotides in Molecular Biology and Biotechnology"*, Ferrara 1993, p.2
08. Ottonello S, **Dieci G**, Duimio L, Coda-Zabetta F, Sprague KU
A Novel RNA Polymerase III Transcription Factor that is not Required for Template Commitment. *15th International tRNA Workshop*, Cap d'Agde (Francia) 1993, p. 22
09. Ottonello S, Ballabeni A, Soncini C, **Dieci G**
High Level Expression in *E.coli* and Purification of Yeast Transcription Factor IIIA. 39° Congresso Nazionale S.I.B., Pavia 1994, S-50, p.341
10. **Dieci G**, Sentenac A.
Facilitated Recycling Pathway for RNA Polymerase III. *Keystone Symposia on Molecular and Cellular Biology, "Transcriptional Mechanisms"*, Taos, NM (U.S.A.), 1996, p.29
11. R  th J, Conesa C, **Dieci G**, Lefebvre O, Dusterhoft A, Ottonello S, Sentenac A
A Suppressor of Mutations in the Class III Transcription System Encodes a Component of Yeast TFIIIB. *Keystone Symposia on Molecular and Cellular Biology, "Transcriptional Mechanisms"*, Taos, NM (U.S.A.), 1996, p.39
12. Arrebola R, Brun I, Carles C, Conesa C, **Dieci G**, Huet J, Lefebvre O, Manaud N, Marck C, Riva M, Werner M, Sentenac A.
Recruitment and Function of RNA polymerase III. *24th Meeting of the Federation of European Biochemical Societies*, Barcelona (Spagna), 1996, p.146
13. Pizzi S, Frigeri P, **Dieci G**, Piccoli G, Stocchi V, Ottonello S
Zinc-Dependent Structure and Activity of Yeast Transcription Factor IIIA. *Riunione Annuale del Gruppo Nucleotidi e Acidi Nucleici della S.I.B.*, Siena, 1997, p. 27
14. **Dieci G**, Ballabeni A, Faccini S, Ottonello S
Nuove strategie per la sovrapproduzione in *E. coli* e la purificazione di proteine eucariotiche. 2° Congresso Nazionale Biotechnologie, Parma, 1998, p. 162
15. **Dieci G**, Bottarelli L, Ballabeni A, Ottonello S
A general procedure for the high level expression in *E. coli* and purification of eukaryotic ribosomal proteins. *26th Meeting of the Federation of European Biochemical Societies*, Nice (Francia), 1999, s128
16. **Dieci G**, Percudani R, Giuliodori S, Ottonello S

- TFIIIC-independent transcription of a yeast tRNA gene. *26th Meeting of the Federation of European Biochemical Societies*, Nice (Francia), 1999, s211
17. **Dieci G**, Corradini R, Marchelli R, Ottonello S
Selective inhibition of RNA polymerase III termination and recycling by oligothymylylic peptide nucleic acids. *Millenium Conference on Transcription by RNA polymerases I and III*, Pacific Grove, CA (U.S.A.), 2000
18. Dieci G, Percudani R, Giuliodori S, Bottarelli L, Ottonello S
TFIIIC-independent *in vitro* transcription of natural yeast tRNA genes. *Millenium Conference on Transcription by RNA polymerases I and III*, Pacific Grove, CA (U.S.A.), 2000
19. **Dieci G**, Bottarelli L, Carles C, Lefebvre O, Ottonello S
A specific subset of free ribosomal proteins copurifies with TFIIE activity. *Millenium Conference on Transcription by RNA polymerases I and III*, Pacific Grove, CA (U.S.A.), 2000
20. **Dieci G**, Guffanti E, Braglia P, Giuliodori S, Sforza S, Ottonello S
Structural rearrangements accompanying termination site recognition by yeast RNA polymerase III. *Third International Conference on Transcription by RNA Polymerases I and III*, Pacific Grove, CA (USA), 2002. p.15
21. Giuliodori S, Percudani R, **Dieci G**, Ottonello S
Non-random sequence elements in the 5'-flanking regions of yeast tRNA genes. *Third International Conference on Transcription by RNA Polymerases I and III*, Pacific Grove, CA (USA), 2002. p.65
22. **Dieci G**, Rivetti C, Guffanti E, Ferrari R, Ottonello S
New insights into the RNA polymerase III recycling mechanism. *Second Annual HFSP Awardees' Meeting*, Ottawa (Canada) June 9-12, 2002
23. Ferrari R, Rivetti C, **Dieci G**
Mechanistic analysis of RNA polymerase III hyper-processivity. *XXIth YGM Conference*. Goteborg, Sweden 7-12 Luglio 2003, abstract 7-29.
24. Ferrari R, Rivetti C, **Dieci G**
Mechanistic analysis of yeast RNA polymerase III hyper-processivity. *CSHL 2003 Meeting on "Mechanisms of Eukaryotic Transcription"*. Cold Spring Harbor, NY, 27-31 Agosto 2003, p.87.
25. Carpentieri A, Amoresano A, **Dieci G**, Bottarelli L, Carles C, Lefebvre O, Ottonelli S, Pucci P
A proteomic approach for identification of a specific subset of ribosomal protein of the transcriptional factor TFIIE in yeast. *Primo Congresso Nazionale IHUPO (Sez. Italiana Human Proteome Organization)*. Napoli, 26-27 Settembre 2003, p.39
26. Braglia P, Ottonello S, **Dieci G**
Nuovi elementi di sequenza che influenzano la terminazione della trascrizione da parte della RNA polimerasi III. *Atti V Convegno FISV*. Rimini 10-13 Ottobre 2003. P1.7.
27. Ferrari R., Rivetti C, **Dieci G**
Mechanistic analysis of RNA polymerase III hyper-processivity. *Atti V Convegno FISV*. Rimini 10-13 Ottobre 2003. P1.21.
28. Braglia P, Percudani R, Ottonello S, **Dieci G**
Sequence context effect on termination signal recognition by RNA polymerase III. *Fourth International Conference on Transcription by RNA Polymerases I and III*. Pacific Grove, CA (USA) 2-5 Giugno 2004.
29. Ferrari R, Rivetti C, **Dieci G**
Distinct roles of TFIIB and TFIIC in transcription reinitiation by RNA polymerase III. *Fourth International Conference on Transcription by RNA Polymerases I and III*. Pacific Grove, CA (USA) 2-5 Giugno 2004.
30. **Dieci G**, Donze D, Kobayashi T, Conesa C, Ferrari R, Rivetti C, Ruotolo R, Buisson NP, Simms TA
Extra-coding functions of RNA polymerase III-transcribed genes. *The HFSP 15th Anniversary - Fourth Awardees Annual Meeting*. Hakone (Japan) 15-18 Maggio, p.9.
31. Ferrari R, Rivetti C, Acker J, **Dieci G**
Mechanisms of transcription reinitiation by the RNA polymerase III multiprotein machinery. *Congresso SIB 2004, Italian J. Biochem. vol 53, p.11.*
32. Braglia P, Alzapiedi M, **Dieci G**
Nhp6 protein, a regulator of tRNA gene expression. *18th IGB Meeting "Epigenetic Bases of Genome Reprogramming"*. Capri, Italy 8-11 Ottobre 2005. p. 38.

33. Conesa C, Ruotolo R, Soularue P, Simms TA, Donze D, Sentenac A, **Dieci G**
Remodeling of yeast genome expression under conditions of defective RNA polymerase III-dependent transcription. *XXIInd International Conference on Yeast Genetics and Molecular Biology*. Bratislava, Slovak Republic August 7-12 2005. S198, n.17-6.
34. Conesa C, Ruotolo R, Soularue P, Simms TA Donze D, Sentenac A, **Dieci G**
Modulation of yeast genome expression in response to defective RNA polymerase III-dependent transcription. *International Workshop on Systems Biology*. Milano, Italy May 12-13 2005. p.23.
35. Guffanti E, Ferrari R, Forloni M, Lefebvre O, **Dieci G**
Sequence requirements for SNR52 gene transcription and post-transcriptional processing. *EMBO/FEBS Conference on Nuclear Structure and Dynamics*. La Grande Motte, France, September 24-28 2005. P-039.
36. Guffanti E, Iacovella MG, Harismendy O, Negri R, **Dieci G**
A silent RNA polymerase III transcription unit that is activated upon chromatin disruption. *CSHL 2005 Meeting on "Mechanisms of Eukaryotic Transcription"*. Cold Spring Harbor, NY August 31-September 4 2005. p.84.
37. Guffanti E, Ferrari R, Forloni M, Lefebvre O, **Dieci G**
Sequence requirements for SNR52 gene transcription and post-transcriptional processing. *CSHL 2005 Meeting on "Mechanisms of Eukaryotic Transcription"*. Cold Spring Harbor, NY August 31-September 4 2005. p. 85.
38. Dieci G, Braglia P, Ferrari R, Guffanti E, Ruotolo R, Conesa C, Donze D
Modulation of tRNA gene transcription by chromatin-associated proteins. *FISV VIII Annual Meeting*. Riva del Garda (TN) Italy 28 September-1 October 2006. C03.1.
39. Preti M, Guffanti E, **Dieci G**
Transcription by RNA polymerase III and post-transcriptional processing of the snR52 box C/D snoRNA in *Saccharomyces cerevisiae*. *FISV VIII Annual Meeting*. Riva del Garda (TN) Italy 28 September-1 October 2006. D01.11.
40. Braglia P, Donze D, **Dieci G**
The high-mobility-group protein Nhp6 participates in tRNA gene transcription and heterochromatin barrier function in *Saccharomyces cerevisiae*. *ESF-EMBO Symposium "Gene Transcription in Yeast"*. Sant Feliu de Guixols, Spain 24-29 Giugno 2006. p.8.
41. Preti M, Guffanti E, **Dieci G**
Transcription by RNA polymerase III and post-transcriptional processing of the SNR52 box C/D snoRNA in *Saccharomyces cerevisiae*. *ESF-EMBO Symposium "Gene Transcription in Yeast"*. Sant Feliu de Guixols, Spain 24-29 Giugno 2006. p.57
42. **Dieci G**, Preti M, Pascali C.
Promoter organization of snoRNA genes in *Saccharomyces cerevisiae*. *EMBO Workshop "Gene Transcription in Yeast"*. Sant Feliu de Guixols, Spain 21-26 Giugno 2008. p. 8
43. Georgieva M, **Dieci G**, Miloshev G.
Chromatin loop organization in *Saccharomyces cerevisiae* HMG1 KO mutant. *EMBO Workshop "Gene Transcription in Yeast"*. Sant Feliu de Guixols, Spain 21-26 Giugno 2008. p. 92
44. Fiorino G, **Dieci G**.
Promoter architecture of Pol II snRNA genes. *EMBO Workshop "Gene Transcription in Yeast"*. Sant Feliu de Guixols, Spain 21-26 Giugno 2008. p.65
45. Suleau A, Tavenet A, Ferrari R, Ducrot C, Michaut M, Aude J-C, **Dieci G**, Lefebvre O, Conesa C, Acker J.
A stress response factor regulates genes involved in cell growth, including Pol III-transcribed genes. *EMBO Workshop "Gene Transcription in Yeast"*. Sant Feliu Guixols, Spain 21-26 Giugno 2008. p.37
46. Castelnovo M, Vassallo I, Massone S, **Dieci G**, Cancedda R, Pagano A.
A new small nuclear RNA gene-like transcriptional unit involved in cell proliferation and differentiation. *Scuola di Dottorato: Silenziamento genico*. Ferrara 18-20 Giugno 2008.
47. Preti M, Ribeyre C, Pascali C, Bosio MC, Cortelazzi B, Rougemont J, Guarnera E, Naef F, Shore D, **Dieci G** (2010)
The telomere-binding protein Tbf1 demarcates snoRNA gene promoters in *Saccharomyces cerevisiae*. *Convegno "Proteine 2010"*, Parma, 8-10 Aprile 2010. P-35.
48. **Dieci G**

- The telomere-binding protein Tbf1 demarcates snoRNA gene promoters in *Saccharomyces cerevisiae*. *EMBO Workshop "Gene Transcription in Yeast"*. Sant Feliu de Guixols, Spain, June 19-24 2010. p.70
49. Orioli A, Quartararo J, Pascali C, Teichmann M, Percudani R, **Dieci G**
Widespread utilization of non-canonical termination signals by human RNA polymerase III. *Seventh International Biennial Conference on Transcription by RNA polymerases I and III*, The Airlie Center, Warrenton, VA (USA), June 3-7, 2010. p.9
50. **Dieci G**
Widespread utilization of telomere-binding proteins at yeast promoters. *Convegno "Yeast, an evergreen model"*. Roma, September 22-25, 2010. p.32
51. Bosio MC, **Dieci G**
A peculiar promoter organization for snoRNA genes in *Saccharomyces*. *36th FEBS Congress*. Torino June 25-30, 2011. p.76. *FEBS J* 278 (Suppl 1), p.76
52. Orioli A, Pascali C, Quartararo J, Diebel KW, Praz V, Romascano D, Percudani R, van Dyk LF, Hernandez N, Teichmann M, **Dieci G**.
Non-canonical termination signal recognition by RNA polymerase III in the human genome. *36th FEBS Congress*. Torino June 25-30, 2011. *FEBS J* 278 (Suppl 1), p.77
53. **Dieci G**
Non-canonical termination and border trespassing by mammalian RNA polymerase III. *3rd Annual Workshop of the Bordeaux RNA Club*. Bordeaux June 30 2011. p.9.
54. Massone S, Vassallo I, Castelnovo M, Fiorino G, Gatta E, Robello M, Borghi R, Tabaton M, Russo C, **Dieci G**, Cancedda R, Pagano A.
RNA polymerase III drives alternative splicing of the Potassium Channel Interacting Protein contributing to brain complexity and neurodegeneration. *Joint meeting: XLVIII Congress of the Italian Association of Neuropathology and Clinical Neurobiology (AINP&NC), XXXVIII Congress of the Italian Association for Research on Brain Aging (AIRIC)*, Naples May 24-26, 2012. *Clinical Neuropathology*, vol 31, May/June 2012, p. 184
55. Conti A, Carnevali D, **Dieci G**. Identification of transcribed Alu elements in the human genome. *FEBS-EMBO 2014*. Paris 30 August-4 September, 2014. *FEBS J* 281 (Suppl 1), p.393.
56. Fermi B, Bosio MC, Dieci G. Characterizing the yeast transcriptional regulator Fhl1. *Convegno Proteine 2014*. Padova 31 Marzo-1 Aprile, 2014. p. 61.
57. Carnevali D, Conti A, Pellegrini M, Dieci G (2015). Profiling SINE expression by computational screening of RNAseq data. *EMBO/EMBL Symposium "The mobile genome. Genetic and physiological impacts of transposable DNA elements"*. Heidelberg 16-19 September. P. 101.
58. Fermi, B, Bosio, MC, Dieci, G (2015). Promoter architecture and transcriptional activation of Abf1-dependent ribosomal protein genes in *Saccharomyces cerevisiae*. *27th International Conference on Yeast Genetics and Molecular Biology*. Levico Terme (Trento), Italy September 6-12. S104.
59. Sartini S, Corbel C, Levati E, Dieci G, Maillet L, Colas P, Couturier C, Bach S, Montanini B, Ottonello S (2015). Yeast-BRET: a high-throughput screening platform for the characterization of protein-protein interaction inhibitors. *27th International Conference on Yeast Genetics and Molecular Biology*. Levico Terme (Trento), Italy September 6-12. S187.
60. Bosio MC, Fermi B, Spagnoli G, Levati E, Cantarella S, Carnevali D, Montanini B, Rubbi M, Ferrari R, Pellegrini M, Dieci G. Ubiquitous transcriptional regulators in the control of yeast ribosome biogenesis, *EMBO Workshop "Gene Transcription in Yeast"*. Sant Feliu de Guixols, Spain, June 09-14 2018.
61. Carnevali D, Pellegrini M, Dieci G. SINE expression profiling from RNA-seq data and its application to cancer biology. *OddPols 2018 – International conference on transcription by RNA polymerases I, III, IV and V*. Toulouse (France) June 26-29 2018.
62. Cantarella S, Carnevali D, Ferrari R, Montanini B, Teichmann M, Morselli M, Pellegrini M, Dieci G, Berk AJ. Genome-wide activation of Alu expression by Adenovirus small E1A. *OddPols 2018 – International conference on transcription by RNA polymerases I, III, IV and V*. Toulouse (France) June 26-29 2018.
63. Carnevali D, Cantarella S, Ferrari R, Montanini B, Morselli M, Teichmann M, Berk AJ, Pellegrini M, Dieci G. SINE-encoded ncRNA profiling unveils a new layer of epigenetic dysregulation in cancer. *XV FISV Congress*, Sapienza Università di Roma, September 18-21 2018.

Seminari e relazioni a invito

- 1993 Seminario presso il Service de Biochimie et Génétique Moléculaire, Centre d'Etudes Nucléaires de Saclay, Gif-sur-Yvette (Francia). "Identification and functional characterization of TFIIE, a novel RNA polymerase III transcription factor".
- 1994 Relazione ad invito al Biennial Meeting on Transcription Elongation and Termination, Mountain Lake, Virginia (U.S.A.). "Altered elongation properties of a mutant RNA polymerase III".
- 2000 Relazione ad invito alla "Millenium Conference on Transcription by RNA polymerases I and III", Pacific Grove, California (U.S.A.). "Selective inhibition of RNA polymerase III termination and recycling by oligothymidylic peptide nucleic acids"
- 2002 Relazione ad invito alla "Third International Conference on Transcription by RNA Polymerases I and III", Pacific Grove, California (U.S.A.). "Structural rearrangements accompanying termination site recognition by yeast RNA polymerase III"
- 2002 Seminario presso il Dipartimento di Genetica e Biologia Molecolare, Università di Roma La Sapienza. "Meccanismi peculiari di inizio, terminazione e reinizio nel ciclo trascrizionale della RNA polimerasi III"
- 2003 Relazione ad invito al Convegno SIBBM "Struttura e funzione del genoma", Cortona. "Transcription of eukaryotic tRNA genes: basal mechanisms of initiation and termination".
- 2004 Seminario presso il Service de Biochimie et Génétique Moléculaire, Centre d'Etudes Nucléaires de Saclay, Gif-sur-Yvette (Francia). "Etude des mécanismes de terminaison et reinitiation de la transcription par l'ARN polymérase III".
- 2004 Relazione ad invito alla "Fourth International Conference on Transcription by RNA Polymerases I and III". Pacific Grove, CA (USA). "Distinct roles of TFIIB and TFIIC in transcription reinitiation by RNA polymerase III".
- 2004 Relazione ad invito al "HFSP 15th Anniversary - Fourth Awardees Annual Meeting", Hakone (Japan). "Extra-coding functions of RNA polymerase III-transcribed genes".
- 2004 Seminario presso il National Institute of Basic Biology, Okazaki (Japan). "Eukaryotic class III genes: transcriptional hot spots with extra-coding roles".
- 2004 Seminario presso la Graduate School of Natural Sciences, Nagoya City University, Nagoya (Japan). "Mechanisms of transcription termination and reinitiation by eukaryotic RNA polymerase III".
- 2004 Seminario presso il Dipartimento di Scienze Neurologiche e della Visione, Sezione di Chimica Biologica, Facoltà di Medicina e Chirurgia, Università degli Studi di Verona. "Meccanismi di re-inizio trascrizionale negli eucarioti".
- 2004 Relazione ad invito al 49° Congresso Nazionale della Società Italiana di Biochimica e Biologia Molecolare (SIB 2004 – Riccione) "Mechanisms of transcription reinitiation by the RNA polymerase III multiprotein machinery".
- 2006 Relazione ad invito ESF-EMBO Symposium "Gene Transcription in Yeast". Sant Feliu de Guixols, Spain 24-29 Giugno. "Mechanism and modulation of RNA polymerase III-dependent transcription".
- 2006 Relazione ad invito FISV 2006, VIII National Congress. Riva del Garda 28 Settembre - 1 Ottobre. "Modulation of tRNA gene transcription by chromatin-associated proteins."
- 2008 Seminario presso Max Planck Institute of Biochemistry, Martinsried, Germany, 23 Aprile. "RNA polymerase III transcription as a source of regulatory RNAs."
- 2008 Relazione ad invito al IV SIBBM Seminar "Frontiers in Molecular Biology", Milano, 15-17 Maggio. "Novel RNA polymerase III promoters and terminators in the human genome."
- 2008 Relazione ad invito EMBO Workshop "Gene Transcription in Yeast". Sant Feliu de Guixols, Spain 21-26 Giugno. G. Dieci, M. Preti, C. Pascali "Promoter organization of snoRNA genes in *Saccharomyces cerevisiae*".
- 2009 Seminario presso il Dipartimento di Biotecnologie e Bioscienze, Università degli Studi di Milano-Bicocca, 15 Aprile. "Promoter demarcation by a subtelomeric protein in yeast".

- 2009 Seminario nell'ambito di "Erasmus week: a joint initiative with the University of Paris 7" presso Dipartimento di Biotecnologie e Bioscienze, Università degli Studi di Milano-Bicocca, 21 Ottobre. "Transcriptional role of the yeast telomeric protein Tbf1".
- 2010 Relazione ad invito al convegno "Proteine 2010", Parma, 8-10 Aprile 2010. "The telomere-binding protein Tbf1 demarcates snoRNA gene promoters in *Saccharomyces cerevisiae*".
- 2010 Relazione ad invito, 7th International Biennial Conference on Transcription by RNA polymerases I and III, The Airlie Center, Warrenton, VA (USA), June 3-7, 2010. "Widespread utilization of non-canonical termination signals by human RNA polymerase III".
- 2010 Seminar, Department of Biological Chemistry, Jonsson Comprehensive Cancer Center, University of California at Los Angeles, 8 June 2010 "Promoter demarcation by the yeast subtelomeric protein Tbf1".
- 2010 Relazione ad invito al convegno "Yeast, an evergreen model", Roma, 22-25 Settembre 2010. "Widespread utilization of telomere-binding proteins at yeast promoters".
- 2011 Seminario, CRA Genomics Research Center, Fiorenzuola d'Arda, 13 maggio. Promoter architectures of non-protein-coding (nc) RNA genes in yeast.
- 2011 36th FEBS Congress. Torino June 25-30. Non-canonical termination signal recognition by RNA polymerase III in the human genome.
- 2011 3rd Annual Workshop of the Bordeaux RNA Club, Bordeaux June 30. Non-canonical termination and border trespassing by mammalian RNA polymerase III.
- 2011 Seminario nell'ambito di "Erasmus week: a joint initiative with the Universities of Paris 7 and Paris 5" presso Dipartimento di Biotecnologie e Bioscienze, Università degli Studi di Milano-Bicocca, 19 Ottobre. "RNA polymerase III: a specialized system for short ncRNA production".
- 2012 Seminario presso il Dipartimento di Biochimica e Biologia molecolare, Università degli Studi di Bari, Scuola di Dottorato in Genomica e Proteomica Funzionale e Applicata. 21 Maggio. "RNA polymerase III: a specialized system for short ncRNA production".
- 2015 Seminario nell'ambito di "Erasmus week" (University of Milano Bicocca and University of Paris 7), presso Dipartimento di Biotecnologie e Bioscienze, Università degli Studi di Milano-Bicocca, 26 Ottobre. "Impact of retrotransposons on human genome regulation".
- 2018 EMBO Workshop "Gene Transcription in Yeast". Sant Feliu de Guixols, Spain. "Ubiquitous transcriptional regulators in the control of yeast ribosome biogenesis".
- 2018 XV FISV Congress, Sapienza Università di Roma, 18-21 settembre. "SINE-encoded ncRNA profiling unveils a new layer of epigenetic dysregulation in cancer".
- 2019 Seminario nell'ambito di PhD Programme in Complex Systems for Life Sciences, Università di Torino, Transposable Element Day, 4 marzo. "Alu RNA profiling unveils a new layer of epigenetic dysregulation in cancer".
- 2019 Seminario presso Institute of Biochemistry and Biophysics, Polish Academy of Sciences, Varsavia, 9 Maggio. "Alu RNA profiling unveils a new facet of epigenetic dysregulation in cell transformation and cancer".
- 2021 Seminario (modalità da remoto) per Dottorato di Ricerca in Scienze Biomediche e Biotecnologiche, Università degli Studi di Udine, 5 marzo. "Genome-wide dysregulation of Alu expression by a viral oncoprotein through interaction with chromatin regulators."

Organizzazione di convegni

- 7th International Biennial Conference on RNA Polymerases I & III, Warrenton VA (USA), June 3-7, 2010. Session Chair (Regulation, Control pathways).
- 12th FISV Congress, Rome, September 24-27, 2012. Session organizer (Minisymposium "Regulation of transcription").
- 27th International Conference on Yeast Genetics and Molecular Biology, Levico Terme, September 6-12, 2015. Member, National Scientific Committee. Plenary session and workshop chair (Gene expression: from epigenetic regulation to mRNA stability).

- 14th FISV Congress, Rome, September 20-23, 2016. Session organizer (Minisymposium “Transcription mechanisms and networks”).
- 3rd Parma Nano-Day, Parma 12-14 luglio 2017. Membro del Comitato scientifico.
- 59th SIB Congress, Caserta 20-22 Settembre 2017. Chair of Plenary Symposium “Transcriptional regulation, chromatin structure and epigenetic modifications”

Attività di referee

Negli anni 2004-2024 ha svolto attività di *referee* anonimo per le seguenti riviste: Molecular Cell, Science Advances, PLoS Genetics, Genome Research, Nucleic Acids Research, EMBO Journal, Molecular and Cellular Biology, Journal of Biological Chemistry, Journal of Molecular Biology, Trends in Biochemical Sciences, Trends in Genetics, Genome Biology and Evolution, Biological Chemistry, Genomics, Gene, Biochimica et Biophysica Acta, Biochemical Society Transactions, Open Biology, BMC Genomics, BMC Molecular Biology, Epigenomics, FEBS Journal, FEBS Letters, Journal of Experimental Botany, Journal of Translational Medicine, International Journal of Molecular Sciences, Genes, Biology, Cellular & Molecular Biology Letters, Current Genetics, Biochemistry and Cell Biology, Frontiers in Molecular Biosciences, Transcription, Mobile DNA, Microorganisms, Cell Cycle.

Nello stesso periodo ha anche svolto attività di valutatore esterno anonimo per: Wellcome Trust Senior Investigator Award (UK), HFSP Career Development Award and Fellowship Program, BBSRC-UK Research Grant Program, Cancer Research UK, Israel Science Foundation Research Grant, ANR (France) Programme Blanc, Projet Laboratoires d'Excellence (Labex, Ministère de l'Éducation Nationale, de l'Éducation supérieure et de la Recherche, France), Maestro, Opus and Praeludium Grant Programs (National Science Centre, Poland), United States-Israel Bilateral Science Foundation Grant program, UCLA Department of Molecular Cell and Developmental Biology Professorship evaluation, Programma PRIN (MIUR), Istituto Pasteur-Fondazione Cenci Bolognetti, Università Italo-Francese, Université Claude Bernard Lyon 1 e Université de Bordeaux (“Membre du Jury - Habilitation à diriger des recherches”), Swiss National Science Foundation, KAUST.

Nel 2023 e nel 2025 è stato membro di Expert Panels di National Science Centre, Poland (NCN), per la valutazione di proposte progettuali in ambito Life Science.

Attività di studio e ricerca in ambito filosofico e interdisciplinare

i) *Filosofia dell'organismo e filosofia della natura*. Il lavoro di G. Dieci in questo ambito è volto al superamento della crisi del significato generata dalla completa deteleologizzazione della natura nel corrente paradigma scientifico, e mira alla ricostituzione della intelligibilità della vita, della coscienza e del mondo naturale da esse presupposto attraverso una riflessione che privilegia l'approccio fenomenologico come via verso un ripensamento non riduzionistico della natura, dell'uomo e della loro relazione.

Pubblicazioni

- Dieci G (2013). The elusive life. Incisiveness and insufficiency of mechanistic biology. *Euresis Journal* vol 4, pp.57-73
- Dieci G (2025). The most inescapable perspective: Revaluing anthropomorphism in biology and natural sciences. *Cosmos and History: The Journal of Natural and Social Philosophy*, 21 (1), pp. 360-396

- Dieci G (2026). Cells and Their Organelles as a Testing Ground for Process- and Substance-Based Ontologies in Biology. *Philosophies*, 11(2), 47. DOI: 10.3390/philosophies11020047

ii) Altre attività di ricerca interdisciplinare

Pubblicazioni

- Bersanelli M, Bellini T, Dieci G (2011) The event of discovery. *Euresis Journal*, vol 1, pp.5-7
- Dieci G (2015). Ricerca scientifica e verità. *Emmeciquadro* n.58 (settembre 2015)
- Dieci G (2016). Luce, pane, vita. Il senso del metabolismo. *Emmeciquadro* n.61 (giugno 2016).

Convegni e altre attività

- Dal 2008, membro del Comitato Scientifico dell'Associazione Euresis per la promozione della cultura e del lavoro scientifico in una prospettiva interdisciplinare (www.euresis.org)
- Dal 2011, membro dell'Editorial Board di Euresis Journal (ISSN 2239-2742, www.euresisjournal.org)
- Chair ai convegni interdisciplinari: "Discovery as an event" (Euresis-John Templeton Foundation), 28-30 agosto 2009, Università di San Marino; "The nature of time in science and in human experience" (Euresis), 21-23 agosto 2013, Università di San Marino; "The roots of motivation in science and knowledge" (Euresis), 27-29 agosto 2014, Università di San Marino.
- Relatore alla Summer School "Il Novecento. Alla ricerca del soggetto", Associazione culturale "Il Rischio Educativo", sul tema "La scienza del Novecento. Uno sguardo nuovo sui viventi." Roma, 14 luglio 2012.
- Relatore al convegno interdisciplinare "Biological evolution and the nature of human beings" (Euresis), 22-24 agosto 2012, Università di San Marino, sul tema: "The elusive life. Incisiveness and insufficiency of mechanistic biology".
- Relatore al Convegno annuale di Universitas-University, sul tema: "Nella nostra ricerca, cos'è la verità? Come possiamo esserne certi? Ci può essere vera conoscenza senza affezione?". CERN, Ginevra, 26-28 febbraio 2015.
- "Scienza e soggettività", *dialogo* con il Prof. Andrea S. Staiti nell'ambito dei Caffè Scientifici e Letterari – Notte dei Ricercatori. Parma, APE Museo, 12 settembre 2018.
- "Linguaggio: espressione della soggettività o fondamento della vita?". *Dialogo* con Wolfgang Huemer e Andrea Staiti nell'ambito degli "Aperitivi della conoscenza", Parma, 15.01.2020

Attività divulgativa, di formazione degli insegnanti e pubblicistica

Incontri a carattere non specialistico

- La luce, gli occhi, il significato. L'esperienza umana del vedere. *Incontro pubblico*, Liceo Scientifico "A. Oriani", Ravenna, 16.04.2008
- Tutte le immagini portano scritto: "più in là". *Incontro pubblico*, Centro Culturale Arché, Foggia, 21.04.2009
- Benvenuti nel nuovo mondo dell'RNA.

Incontro pubblico nell'ambito del ciclo "Scientificamente – Dialoghi di Scienza", Cattolica, 26.03.2010

- L'uso della ragione nella conoscenza della realtà.

Relazione nell'ambito della manifestazione "ScienzaFirenze 2010 (VII ed.). Sulle spalle dei giganti. Interrogare la realtà guidati da un maestro", Firenze, 22 Aprile 2010.

- Che cos'è la vita?

Incontro pubblico nell'ambito del ciclo "Scienza a Seveso 2012. Domande e certezze nella scienza", Seveso, 15 Marzo 2012.

- Esperimento e amore della realtà.

Relazione nell'ambito della manifestazione "ScienzaFirenze 2012 (IX ed.) – Modelli alla prova. La dimensione sperimentale nello studio delle scienze della natura", Firenze, 29 Marzo 2012.

- Cos'è la vita? E' questa una domanda a cui ogni uomo deve cercare di dare una risposta; ma è anche il problema che domina l'orizzonte di chiunque faccia ricerca in campo biologico. Quali risposte emergono alla luce delle conoscenze acquisite nella ricerca?

Incontro con studenti e insegnanti, Liceo Classico-Istituto Sacro Cuore di Milano. Ameglia, 27.09.2012

- Genomi ed epigenomi: dove è scritto il programma della vita?

Incontro con studenti, Liceo Classico L. Respighi, Piacenza, 14.02.2014

- "Che cos'è la scienza? La rivoluzione di Anassimandro". Riflessione dal saggio di Carlo Rovelli.

Incontro con studenti liceali. Biblioteca delle Arti, Musei Civici, Reggio Emilia, 12 maggio 2015.

- "Cellule, molecole, segnali e significati: uno stupore senza fine nello studio dei viventi".

Incontro pubblico nell'ambito del ciclo "Guardare la bellezza fa scoprire ciò che sei tu", organizzato dalla Scuola primaria e secondaria di primo grado "Il seme". Fidenza, Chiesa di S. Pietro, 23 Novembre 2015.

- "La luce, gli occhi, il significato: l'esperienza umana del vedere". *Incontro con studenti e insegnanti del Liceo Scientifico Mattei di Fiorenzuola d'Arda (PC), 12 Dicembre 2015.*

- "Luce, pane, vita. Il senso del metabolismo."

Relazione nell'ambito della manifestazione "ScienzaFirenze 2016 (XIII ed.) – "Le trasformazioni nei fenomeni naturali. La dimensione sperimentale nello studio delle scienze", Firenze, 15 Aprile 2016.

- Ciclo di seminari per Liceo Scientifico Marconi, Chiavari (GE). (1) Che cos'è l'epigenoma? (2) Experimental strategies to study the epigenome. (3) Epigenetica e salute umana. Chiavari, 9 marzo 2017.

- Lezione presso Alma Mater Studiorum Università di Bologna, Corso Ars Medica-L'arte di curare. "Chimica e conoscenza della vita: un'inchiesta senza fine". 20 marzo 2017.

- Intervento presso Centro Culturale di Milano, nell'ambito del ciclo di incontri "Scienze, nuove frontiere del pensare e dell'agire". "Genome editing. Conoscere o manipolare il genoma?". Milano, 30 maggio 2018.

- "Il metodo della ricerca scientifica". *Lezione nell'ambito della manifestazione "Pomeriggi Maturandi 2018" – Bilancio del Novecento: questioni aperte* promossa da Associazione Italiana Centri Culturali", 9 aprile 2018. https://www.youtube.com/watch?v=IWg1y_i2xjs

- "Manufatti viventi: l'*Homo faber* fra ingegneria genomica e biologia sintetica". *Relazione nell'ambito della manifestazione Scuola popolare di cultura scientifica 2018 "La scintilla della vita. Da Frankenstein alla biologia sintetica". Parma, 27.11.2018.*

- "Formazione scientifica e bene comune". Incontro pubblico presso Caffè Letterario Liceo M. Gioia (Piacenza). Piacenza, 22.02.2019

- “La luce, gli occhi, il significato: l’esperienza umana del vedere”. *Incontro pubblico* di presentazione della mostra omonima presso Associazione Culturale G. La Pira, Merano (BZ), 30.09.2019
- “Frontiere della biologia”. *Incontro pubblico* presso Biblioteca comunale, Comune di Caorso (PC), 07.11.2019.
- “Essere fatti come un prodigio: la meraviglia dell’interdipendenza”. Presentazione dell’incontro con il Prof. Scott Gilbert, 41° Meeting per l’Amicizia fra i popoli, Rimini, 18.08.2020.
- “Essere viventi”. Coordinamento della video-mostra in 4 volumi presentata al 41° Meeting per l’amicizia fra i popoli, Rimini, 18-23.08.2020.
- “Estar vivos”. Evento conclusivo della presentazione della mostra Essere Viventi in America Latina. Incontro pubblico da remoto, 10.10.2020.
- “Essere viventi: un incessante costruirsi”. Incontro pubblico nell’ambito del ciclo Scienza a Seveso 2020, tenutosi da remoto il 6.11.2020
- “Il prodigio di essere viventi”. Incontro pubblico organizzato dal Centro Culturale A. Manzoni (Bresso, MI), tenutosi da remoto il 11.11.2020.
<https://www.youtube.com/watch?v=h3rpVJex17k&feature=youtu.be>
- “L’evoluzione della vita sulla Terra”. Lezione nell’ambito del corso di formazione per gli insegnanti della religione cattolica organizzato dall’Ufficio IRC, Diocesi di Pavia. Modalità da remoto, 25.11.2020.
- “Origine della vita. Uno scienziato nell’epoca del dubbio.” Incontro pubblico nell’ambito del programma Dimensione Cultura della Fondazione Grossman (Milano), tenutosi da remoto il 13.05.2021 (<https://www.fondazionegrossman.org/2021/05/origine-della-vita-uno-scienziato-nellepoca-del-dubbio/>)
- “Il cammino della scienza tra fascino, potenzialità e limiti”. Relatore a due incontri nell’ambito del progetto dell’I.I.S.S. “Berenini”, Fidenza (9.02.2022 e 4.04.2022).
- “Universe and life: a look at nature between science and faith”. Co-relatore su invito (con Marco Bersanelli, Università di Milano) a un incontro pubblico nell’ambito della Sharjah International Book Fair 2022, Sharjah (Emirati Arabi Uniti), 5.11.2022
- “Scoperte e frontiere della ricerca epigenetica”. Seminario presso Liceo G. Novello (Codogno), 24.01.2023
- “Universo vivo. Indagine scientifica e senso della natura”. Co-relatore su invito (con Marco Bersanelli, Università di Milano) a un incontro pubblico nell’ambito Rimini Meeting 2023, Rimini, 24.08.2023
- “Natura, materia e vita. Sguardi sulle origini”. Relatore su invito a incontro pubblico organizzato da La Via delle Scienze nell’ambito della XXI stagione dal titolo “Entro/oltre. L’incertezza del confine.” Valdarno, 21.03.2025. <https://www.laviadelle scienze.org/dieci/>
- “Gente alla ricerca”. Relatore a tavola rotonda nell’ambito dell’iniziativa Melzo Incontra La Scienza. Melzo, 24.01.2026.

Articoli e relazioni nell’ambito della formazione degli insegnanti

- Lo scientismo ostacolo alla scienza (e all’apprendimento).
Relazione, Convegno Diesse-Di.S.A.L. “Metodo, ragione e studio”, Piacenza, 13-14 Aprile 2007
- Dieci G, Tortora P. L’evoluzione molecolare. Uno sguardo nuovo sui viventi e sulla loro storia. *Emmeciquadro* n.36, Agosto 2009, pp.7-22
- Dieci G. Proteggere i cromosomi: telomeri e telomerasi. *Emmeciquadro* n.37, Dicembre 2009, pp. 153-154
- Dieci G. La ricerca scientifica: di fronte alla realtà senza pregiudizi
Emmeciquadro n. 76 (online) 28 settembre 2012

- Dieci G. La biologia e la vita. *Emmeciquadro - Speciale n.12* (online), 19 Dicembre 2013
- Dieci G. Genomi ed epigenomi: dove è scritto il programma della vita? *Emmeciquadro – Speciale n.14* (online), 30 dicembre 2014.
- L’inventario senza fine. Le sfide della complessità nella biologia post-genomica. *Relazione, Workshop “Scienza e Metodo 2013. Un confronto con scienziati e filosofi sui metodi della scienza.”* Laboratori Nazionali del Gran Sasso, 10-11 ottobre 2013.
- Genomi ed epigenomi: dove è scritto il programma della vita? *Relazione, Simposio “Le frontiere e i confini della scienza”.* Laboratori Nazionali del Gran Sasso, 28-29 ottobre 2014.
- Le frontiere della biologia molecolare. *Relazione, Corso di aggiornamento per insegnanti “Fisica e Biologia nel XX secolo”.* Università degli Studi di Milano, Dipartimento di Fisica, 4-5 Marzo 2016.
- Eredità biologica: oltre il DNA. *Relazione, Simposio “Nuovi orizzonti di una scienza in divenire”.* GSSI, L’Aquila, 25-26 Ottobre 2018.
- Eredità biologica: oltre il DNA. *Emmeciquadro n.71*, dicembre 2018 (online).
http://emmeciquadro.euresis.org/mc2/nuovi-orizzonti-scienza-in-divenire/simposio2018_dieci_eredita-biologica-oltre-dna.pdf
- La biologia sintetica. *Relazione, VI Simposio interdisciplinare “Parliamo di Scienza”* sul tema “La scienza studia l’uomo”, 22 e 23 ottobre 2020, previsto presso l’Università di Pavia ma svolto da remoto.
- Che cosa si intende per conoscenza e metodo scientifico. Seminario per insegnanti, Scuola Paritaria Sant’Agostino, Salsomaggiore Terme, 7.03.2022.

Convegni e altre attività

- Membro del comitato scientifico del Simposio: “Scienza e tecnologia, un dialogo che continua”. Laboratori Nazionali del Gran Sasso, 22-23 ottobre 2015.
- Session chair, Simposio “Formazione ed evoluzione dell’ambiente: misure e modelli”. Laboratori Nazionali del Gran Sasso, 27-28 ottobre 2016.
- Membro del Comitato scientifico del Simposio: “Nuovi orizzonti di una scienza in divenire”. Gran Sasso Science Institute, L’Aquila, 25-26 ottobre 2018.
- Membro del Comitato scientifico del VI Simposio interdisciplinare “Parliamo di scienza”: “La scienza studia l’uomo”. Università degli Studi di Pavia, 22-23 ottobre 2020.

Articoli divulgativi per quotidiani

- DNA / Come passano le informazioni nel nucleo della cellula?
Il Sussidiario.net, 13-01-2009
- Nobel / Medicina: due donne che hanno aperto la strada alla cura per il cancro (Intervista)
Il Sussidiario.net, 6-10-2009
- Chiamiamola “genomica”, ma per una vera cellula ci vuol ben altro...(Intervista)
Il Sussidiario.net, 24-05-2010
- Scommesse sull’eredità: più che i geni contano i prioni
Il Sussidiario.net, 20-02-2012
- Premi Nobel 2012 / La chimica dell’adrenalina spalanca il mondo dei biosegnali
Il Sussidiario.net, 11-10-2012
- DNA, sessant’anni di scoperte. Ma l’uomo è molto di più di quelle istruzioni.
Il Sussidiario.net, 1-03-2013
- Anniversario DNA: *Nature* ha celebrato “lo sconosciuto”.
Il Sussidiario.net, 3-05-2013

- NOBEL MEDICINA / Che traffico in quelle cellule! In tre hanno risolto il rebus.

Il Sussidiario.net, 8-10-2013

- UNIVERSO VIVO / Così scienza, natura e vita si “incontrano” nel senso. (Intervista)

Il Sussidiario.net, 24-08-2023. <https://www.ilsussidiario.net/news/universo-vivo-cosi-scienza-natura-e-vita-si-incontrano-nel-senso/2580683/>